



ΕΡΕΥΝΑ ΓΕΝΕΤΙΚΗΣ ΠΟΙΚΙΛΟΤΗΤΑΣ ΦΥΣΙΚΩΝ ΠΛΗΘΥΣΜΩΝ ΤΟΥ
ΔΑΣΟΠΟΝΙΚΟΥ ΕΙΔΟΥΣ *Fraxinus angustifolia* Vahl. ΜΕ ΤΗ ΧΡΗΣΗ
ΜΟΡΙΑΚΩΝ ΔΕΙΚΤΩΝ

Ρ.Μ. Παπή^{1,2}, Κ.Α. Σπανός¹, Δ.Α. Κυριακίδης^{2,3}

(1) ΕΘ.Ι.ΑΓ.Ε. - Ινστιτούτο Δασικών Ερευνών,
57006 Βασιλικά, Θεσσαλονίκη

(2) Α.Π.Θ. - Τμήμα Χημείας, Εργαστήριο Βιοχημείας,
54124 Θεσσαλονίκη

(3) Εθνικό Ίδρυμα Ερευνών,
Λεωφ. Βασ. Κωνσταντίνου 48, 11635, Αθήνα

Η μελέτη της γενετικής ποικιλότητας των φυσικών πληθυσμών του δασοπονικού είδους *Fraxinus angustifolia* αποτελεί αντικείμενο της παρούσας εργασίας. Για το σκοπό αυτό αναγνωρίστηκαν και επιλέχθηκαν οκτώ (8) φυσικοί πληθυσμοί του *F. angustifolia* σε όλη την ηπειρωτική Ελλάδα. Για τη μελέτη της γενετικής ποικιλότητας χρησιμοποιήθηκαν οι μοριακοί δείκτες - περιοχές μικροδορυφορικού DNA στον πυρήνα του κυττάρου - FEMSATL4, FEMSATL11, FEMSATL16, FEMSATL19 και M2-30. Από την ανάλυση των αποτελεσμάτων, εκτιμήθηκαν ο πολυμορφισμός (μέσος αριθμός αλληλόμορφων/γονιδιακή θέση), τα επίπεδα ετεροζυγωτίας στους πληθυσμούς και η γενετική ποικιλότητα εντός και μεταξύ των πληθυσμών. Υψηλός πολυμορφισμός βρέθηκε μέσα στους πληθυσμούς για όλους τους μοριακούς δείκτες καθώς επίσης υψηλή συνολική γενετική ποικιλότητα $HT = 0,784$. Οι μοριακοί δείκτες FEMSATL4, FEMSATL11 και M2-30 βρέθηκαν να έχουν υψηλότερη πολυμορφία σε σύγκριση με τους FEMSATL16 και FEMSATL19. Το μέσο συνολικό ποσοστό ετεροζυγωτίας (όλων των πληθυσμών) βρέθηκε υψηλό για τους μοριακούς δείκτες FEMSATL4, FEMSATL11 και M2-30 ($H_o=0,703 - 0,906$), σχετικά μικρότερο για τους δείκτες FEMSATL16 και FEMSATL19 ($H_o=0,492 - 0,385$), ενώ το συνολικό μέσο ήταν $H_o=0,669$. Η γενετική διαφοροποίηση μεταξύ των πληθυσμών βρέθηκε να είναι χαμηλή ($F_{ST} 0,024 - 0,133$, μέσο συνολικό $F_{ST} = 0.059$) γεγονός που αποδεικνύει ότι πολύ μικρό ποσοστό της συνολικής γενετικής ποικιλότητας οφείλεται στη διαφοροποίηση μεταξύ των πληθυσμών.